

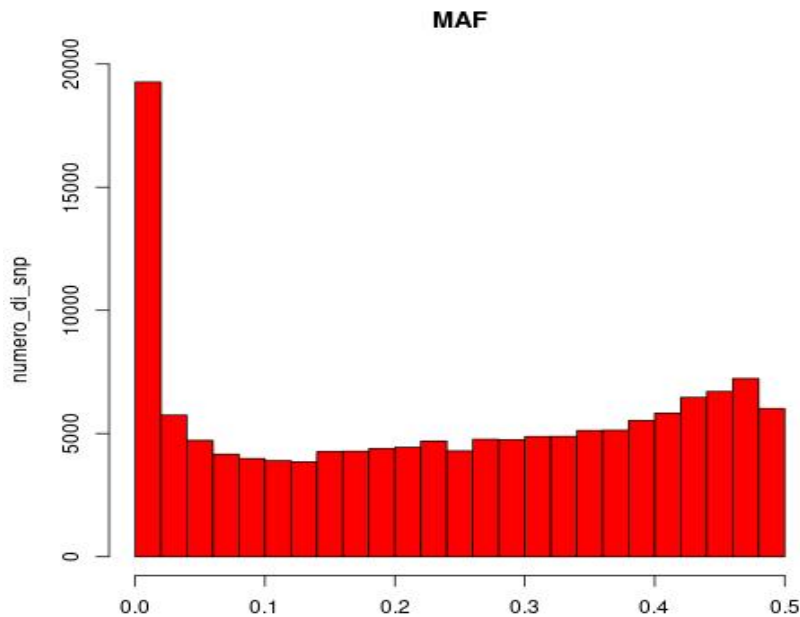


STATISTICHE DESCRITTIVE INERENTI ALLA GENOTIPIZZAZIONE IN SOGGETTI DI RAZZA GARFAGNINA NELL'AMBITO DEL PROGETTO DUAL BREEDING - TRIENNIO 2018 - 2020

Di seguito vengono riportate alcune statistiche di sintesi inerenti alle analisi genomiche effettuate su 52 soggetti di razza Garfagnina.

1. Minor Allele Frequency (MAF): Identifica l'allele con minor frequenza tra tutti i marcatori analizzati.

Media	Mediana	Min.	Max.
0,242	0,250	0,000	0,500



2. CALL RATE (SNP): Indica con che percentuale sono mediamente presenti gli SNP esaminati.

Media	Mediana	Min.	Max.
0,989	0,999	0,000	1,000

Numero di SNP sotto al 95% di call rate

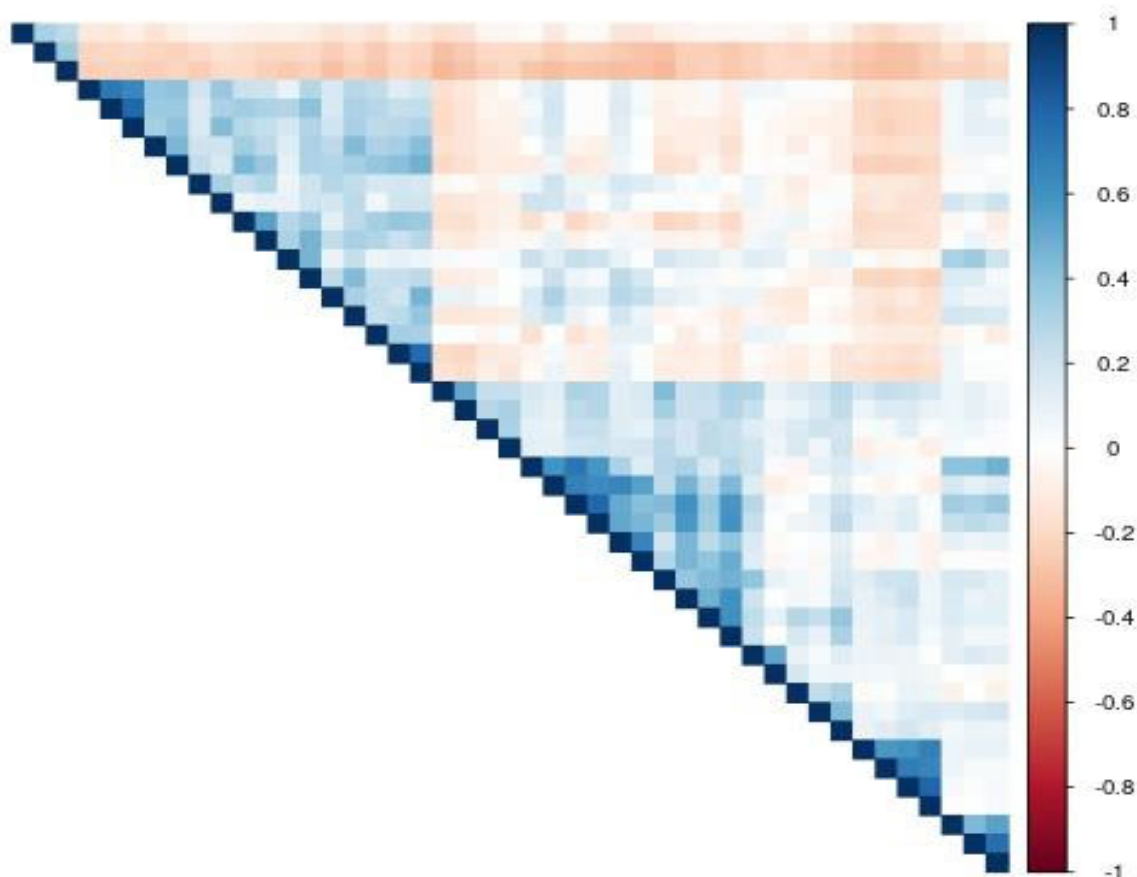
Call rate	id
0,948	ARS-BFGL-NGS-86120
0,945	BovineHD2400001844
0,944	BovineHD2400007245
0,936	ARS-BFGL-NGS-114240
0,935	BovineHD2400007076
0,934	BovineHD2400003639
0,930	BovineHD2400011874
0,927	BovineHD2400007305
0,925	BovineHD2400000175
0,922	BovineHD2400009534
0,913	ARS-BFGL-NGS-5318



3. **CALL RATE (ANIMAL):** Indica con che percentuale sono mediamente presenti gli SNP esaminati per ogni animale su cui è stata fatta l'analisi genomica.

Media	Mediana	Min.	Max.
0,997	0,997	0,997	0,997

4. **PARENTELA GENOMICA:** Parentela calcolata sulla base dei marcatori SNP comuni tra i soggetti testati. Valori tendenti al Blu indicano elevato legame di parentela, tendenti al Rosso scarso legame di parentela



5. **INBREEDING GENOMICO:** Livello di inbreeding o consanguineità desunta dalla parentela genomica.

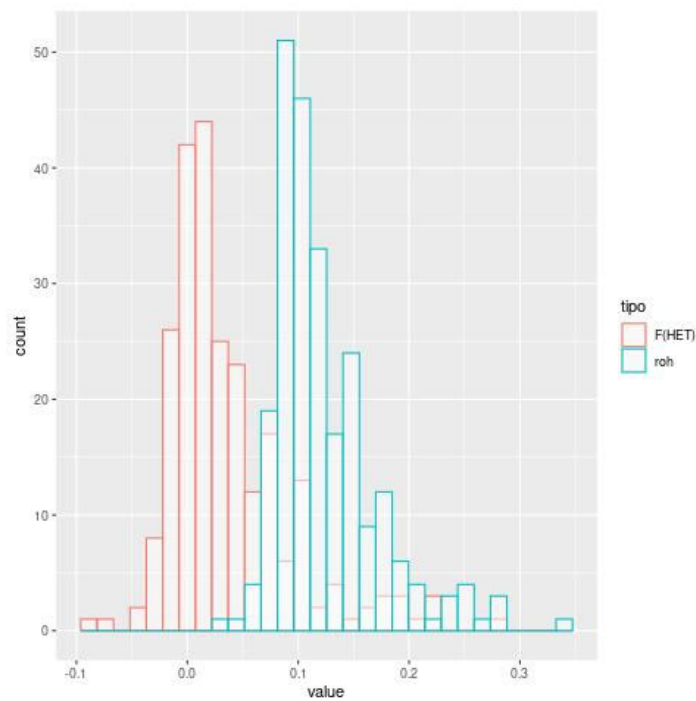
Lista di 10 animali contenente i 5 animali con valore di Inbreeding Genomico più alto e i 5 animali con valore di Inbreeding Genomico più basso e, a seguire, più alto, utilizzando due metodi di calcolo (HET e ROH)

N	INBREEDING HET		INBREEDING ROH	
	Matricola	Inbreeding	Matricola	Inbreeding
1	IT050990025601	-0,180	IT050990025601	0,073
2	IT050990013382	-0,153	IT050990013382	0,087
3	IT050990027950	-0,013	IT046990009997	0,010
4	IT046990012636	-0,090	IT050990027950	0,011
5	IT046990009997	-0,085	IT046990009997	0,011



INBREEDING HET			INBREEDING ROH	
N	Matricola	Inbreeding	Matricola	Inbreeding
1	IT046990011743	0,2310	IT046990011743	0,2387
2	IT046990012776	0,1760	IT046990011740	0,1680
3	IT046990011740	0,1689	IT046990012776	0,1760
4	IT046990007464	0,1554	IT046990001630	0,1560
5	IT046990001630	0,1550	IT046990007464	0,1550

Distribuzione di frequenza dei livelli di inbreeding misurati con HET e ROH.



La Correlazione tra le due tipologie di inbreeding è risultata pari allo 0.97.

6. ANALISI DI PCA: valuta se la popolazione è uniforme (come nel caso indicato) oppure ci possano essere differenze entro razza (sottopopolazioni).

