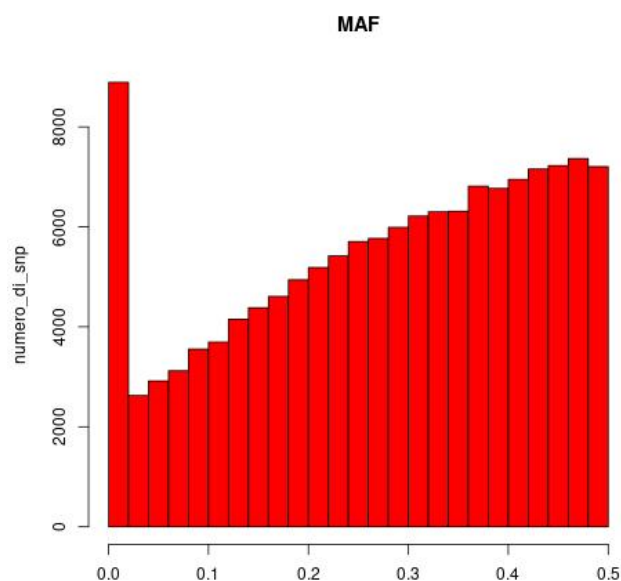


STATISTICHE DESCRITTIVE INERENTI ALLA GENOTIPIZZAZIONE IN SOGGETTI PUSTERTALER SPRINTZEN/BARÀ NELL'AMBITO DEL PROGETTO DUAL BREEDING - TRIENNIO 2018 - 2020

Di seguito vengono riportate alcune statistiche di sintesi inerenti alle analisi genomiche effettuate su 252 soggetti di razza Pustertaler Sprintzen/Barà.

1. Minor Allele Frequency (MAF): Identifica l'allele con minor frequenza tra tutti i marcatori analizzati.

Media	Mediana	Min.	Max.
0,295	0,278	0,000	0,500



2. CALL RATE (SNP): Indica con che percentuale sono mediamente presenti gli SNP esaminati,

Media	Mediana	Min.	Max.
0,940	0,950	0,000	1,000

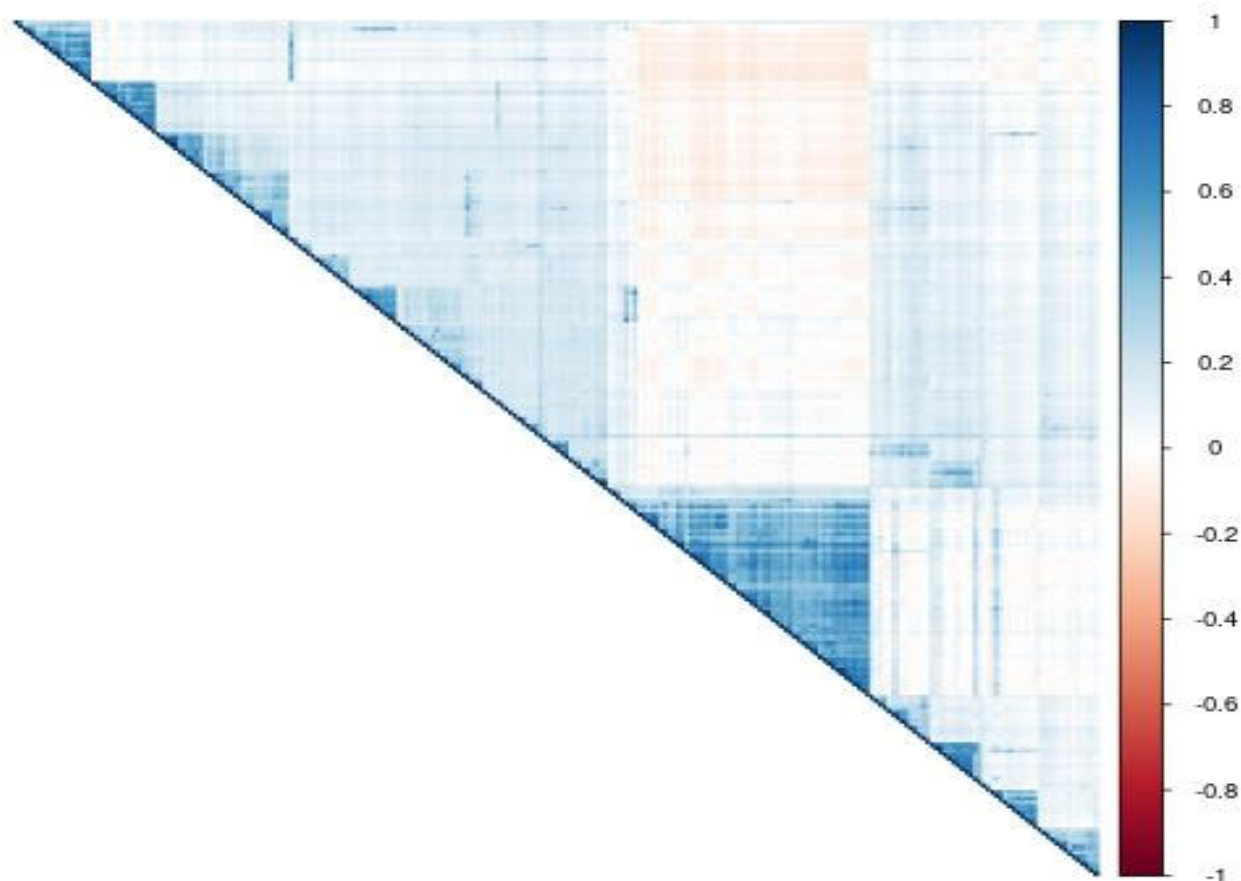
Numero di SNP sotto al 90% di call rate.

Call Rate	Animal
0,84375	ARS-BFGL-NGS-14337
0,84375	ARS-BFGL-NGS-108161
0,84375	BovineHD2900014033
0,84375	BovineHD2900014844
0,84375	ARS-BFGL-NGS-56400
0,84375	ARS-BFGL-NGS-80841
0,84375	BovineHD2400000479
0,84375	BovineHD2400000887
0,84375	BovineHD2400011179
0,81250	BovineHD2900014844
0,81250	Hapmap32614-BTA-152723
0,78125	ARS-BFGL-NGS-14337
0,75000	Hapmap49249-BTA-64138
0,68750	BovineHD2900014033
0,50000	BovineHD2900014049

3. **CALL RATE (ANIMAL):** Indica con che percentuale sono mediamente presenti gli SNP esaminati per ogni animale su cui è stata fatta l'analisi genomica.

Media	Mediana	Min.	Max.
0,920	0,997	0,000	0,998

4. **PARENTELA GENOMICA:** Parentela calcolata sulla base dei marcatori SNP comuni tra i soggetti testati. Valori tendenti al Blu indicano elevato legame di parentela, tendenti al Rosso scarso legame di parentela.



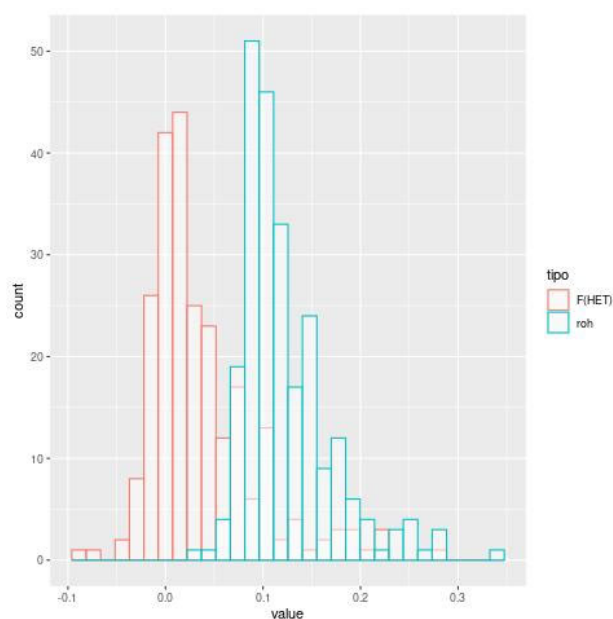
5. **INBREEDING GENOMICO:** Livello di inbreeding o consanguineità desunta dalla parentela genomica.

Lista di 10 animali contenente i 5 animali con valore di Inbreeding Genomico più alto e i 5 animali con valore di Inbreeding Genomico più basso e, a seguire, più alto, utilizzando due metodi di calcolo (HET e ROH)

N	INBREEDING HET		INBREEDING ROH	
	Matricola	Inbreeding	Matricola	Inbreeding
1	IT001990950096	-0,097	IT001990731421	0,037
2	IT001990731421	-0,074	IT001990509115	0,045
3	IT001990657561	-0,047	IT021002152274	0,054
4	IT001990509115	-0,047	IT001990950096	0,054
5	IT001990723403	-0,034	IT021001879960	0,057

INBREEDING HET			INBREEDING ROH	
N	Matricola	Inbreeding	Matricola	Inbreeding
1	IT001990995324	0,287	IT001990995324	0,287
2	IT001991114774	0,226	IT001991114774	0,226
3	IT001990880666	0,224	IT001991122098	0,224
4	IT001991122098	0,221	IT001990960699	0,201
5	IT001990960699	0,201	IT001991037296	0,193

Distribuzione di frequenza dei livelli di inbreeding misurati con HET e ROH.



La Correlazione tra le due tipologie di inbreeding è risultata pari allo 0.97.

6. ANALISI DI PCA: valuta se la popolazione è uniforme oppure ci possano essere differenze entro razza (sottopopolazioni; come evidente nel presente caso presente).

